



NEWSLETTER ONE HEALTH – MARZO 2024

www.prosaia.org

Influenza aviar altamente patógena rumiantes, transmisión a humano

Durante el mes de marzo se detectó el virus de la **Influenza Aviar Altamente Patógena (IAAP/HPAI) H5N1** por primera vez en rumiantes domésticos en los EE.UU.

La primera detección se produjo en **cabritos neonatales que presentaban trastornos neurológicos** y procedían de un **traspasío** de Minnesota **afectado recientemente por la HPAI**.

Las cabras, que compartían el mismo pasto y el mismo abrevadero con patos y gallinas infectadas, empezaron a parir solamente unos días después de que se despoblaran las aves. De los 10 cabritos que murieron, de entre 5 y 9 días de edad, cinco dieron positivo para el virus H5N1, clado 2.3.4.4b, con pruebas realizadas en **muestras de cerebro y otros tejidos**. Los datos disponibles hasta ahora sobre la secuencia de genoma completo para las gallinas, los patos y la primera cabra analizada guardan una gran semejanza y corresponden al genotipo reordenado euroasiático/norteamericano B3.6 (GenoFlu).

Por otra parte, el Departamento de Agricultura de EE. UU. (USDA), la Administración de Alimentos y Medicamentos (FDA) y los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades (CDC), así como los veterinarios públicos y privados, están investigando casos de HPAI que se están dando **principalmente entre vacas lecheras adultas en -hasta el momento- 6 estados** y un caso de **infección por el virus en una persona**.

Las muestras de leche no pasteurizada o hisopado orofaríngeo de animales enfermos recolectadas en tambos de Kansas, Texas, Nuevo México, Michigan, Idaho y Ohio (diagnóstico presuntivo, aún sin confirmación) resultaron positivos a Influenza HPAI.

EE.UU. Estados en los que se detectó HPAI en bovinos



APHIS-USDA

Se iniciaron investigaciones adicionales ya que se informó también que en las propiedades se encontraron aves silvestres muertas, por lo que se supone que la enfermedad fue introducida por las aves. Los bovinos afectados presentaron disminución de la producción láctea y reducción de la ingesta, entre otros síntomas.

Las pruebas iniciales realizadas por los Laboratorios de los Servicios Veterinarios Nacionales no identificaron cambios en el virus que lo haría más transmisible a los humanos y se están llevando a cabo pruebas adicionales de HPAI, así como secuenciación genómica a fin de comprender mejor la situación, incluyendo la caracterización de la cepa/s de estas detecciones.

Sin embargo, se informó sobre un caso de una persona que estuvo expuesta directamente al ganado lechero presuntamente infectado con HPAI. Los CDC realizaron pruebas confirmatorias durante el fin de semana para el caso humano, cuyo único síntoma fue inflamación ocular.

También fueron confirmados 3 casos positivos para HPAI en gatos domésticos muestreados en Texas y Kansas.

Fuente: [APHIS-USDA](#) - [APHIS-HPAI Detections](#) - [CDC](#) - [CDC AI timeline](#) - [WAHIS-WOAH](#) - [GenoFLU](#) - [Promed](#)

Dengue

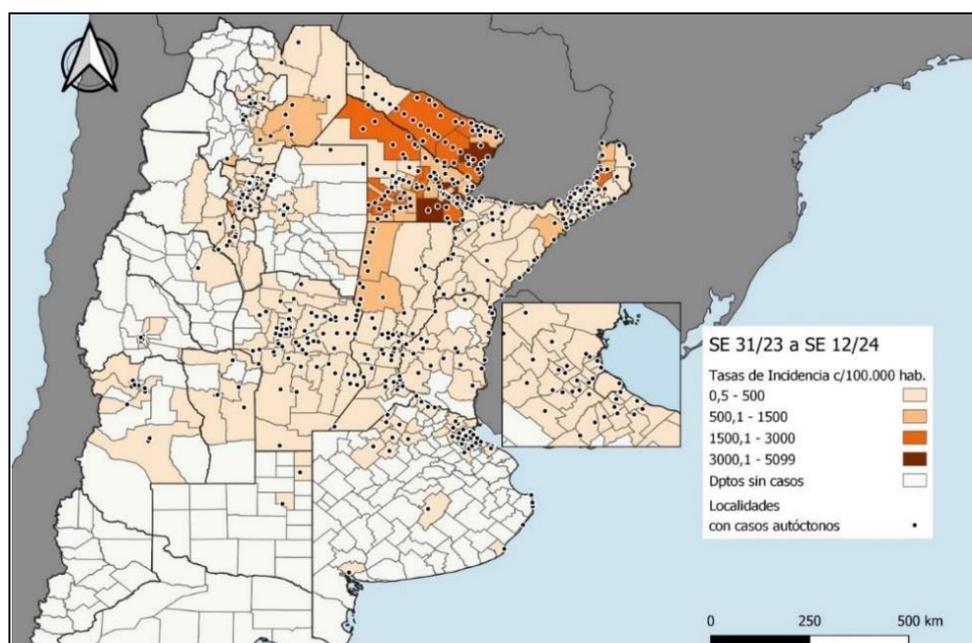
Situación en Argentina

En las últimas semanas se registró un importante aumento de casos declarados de dengue en muchas regiones del país. En lo que va de la temporada 2023/2024 (SE 31/2023 hasta la SE 12/2024) se registraron 180.529 casos (90% autóctonos, 7% en investigación y 3% importados), de los cuales **163.419 se registraron desde la SE1 a SE12 de 2024**. La incidencia acumulada hasta el momento para el total país es de **384 casos cada 100.000 habitantes**. En el mismo período 398 casos fueron clasificados como dengue grave (0,22%) y se registraron 129 casos fallecidos (letalidad 0,071%).

En comparación con otros años epidémicos, la actual temporada se caracteriza por:

- Mayor magnitud que temporadas previas: los casos acumulados hasta la SE12 representan algo más de 6 veces que lo registrado en el mismo período de la temporada anterior - 2022/2023.
- Circulación viral persistente durante todo el período y adelantamiento del aumento estacional respecto a años epidémicos previos
- Mayor número de casos por semana: con la información disponible hasta el momento, durante las SE 8, 9, 10 y 11 se ha superado el número de casos respecto al máximo previo

Dengue: Incidencia acumulada por departamento con casos autóctonos y localidades con al menos 2 casos. SE 31/2023 a SE 12/2024. Argentina.



Fuente: Elaboración del Área de Análisis de información e Investigación en base a información proveniente del Sistema Nacional de Vigilancia de la Salud (SNVS 2.0).

Circulación de serotipos

En la presente temporada se han identificado hasta el momento 3 serotipos circulando en el país, con predominio de DEN-2, seguido de DEN-1 y algunos pocos casos de DEN-3.

Región

Brasil: Hasta la SE 11/2024 se reportaron 2.464.265 casos de dengue, **tres veces el número registrado en el mismo período del 2023**, y 561 fallecidos.

Bolivia: Entre la SE 1 y la 08/2024, se registraron 11.221 casos de dengue, **un 82% menos que lo reportado a la SE 08/2023**, y 9 fallecidos.

Paraguay: Entre la SE 1 y 10 de 2024 se notificaron 176.664 casos de dengue, **22 veces lo registrado para el mismo tiempo en 2023**. Los fallecidos para el período correspondiente a 2024 fueron 50.

Perú: Desde la SE1 a la 10 de 2024 se notificaron 61.736 casos de dengue, **tres veces los casos reportados hasta dicha semana de 2023**, y 50 fallecidos.

En relación con los **serotipos** de dengue, Paraguay y Bolivia registran circulación de DEN 1 y DEN 2. Perú reporta circulación de los serotipos DEN 1, DEN 2 y DEN 3. Brasil, por su parte, presenta circulación del serotipo DEN 4, además de los 3 serotipos previamente mencionados. En relación con el año previo, se puede observar un aumento de los casos de dengue en Brasil, Paraguay y Perú.

Fuente: [BEN 697 SE 12/24](#)

Aujeszky: alerta por un brote en el centro-norte de Santa Fe

Se detectó un brote de Aujeszky en porcinos en el centro-norte de la provincia de Santa Fe, que mantiene en alerta al sector ante el riesgo de una propagación de la enfermedad hacia el norte de la provincia y el impacto que pueda generar no sólo en las granjas, sino en el estatus sanitario argentino respecto de los mercados porcinos externos.

El episodio se dio en la pequeña localidad de Emilia, en el departamento La Capital, ubicada sobre la ruta provincial 62, a 2 kilómetros de la ruta nacional 11, al norte de la capital local. Las actividades económicas de esta comunidad de poco más de mil habitantes se basan en la lechería, ganadería, la cría de porcinos y la agricultura.

El caso se produjo fuera del área donde históricamente se reportó la presencia de la enfermedad, circunscrita al suroeste de Santa Fe y al sureste de Córdoba, donde

está debidamente controlada, especialmente en las pequeñas granjas que presentan un menor estatus de bioseguridad que las grandes productoras.

Sin embargo, el primer dato llamativo es que la enfermedad, que afecta a cerdos domésticos y silvestres, entre otros animales, y que está presente en distintas zonas de la Argentina, comenzó a aparecer precisamente en grandes granjas del país ya hace varios meses, en contradicción con aquel preconcepto. De allí que el gobierno nacional autorizó la importación extraordinaria de 1,2 millón de vacunas contra Aujeszky de las cuales unas 300 mil habrían ingresado al país, de acuerdo a datos oficiales.

Con respecto al brote, dentro de una población de 120 cerdos que tiene la granja, se tomaron muestras de sangre a 60, de los cuales 56 dieron positivo para Aujeszky.

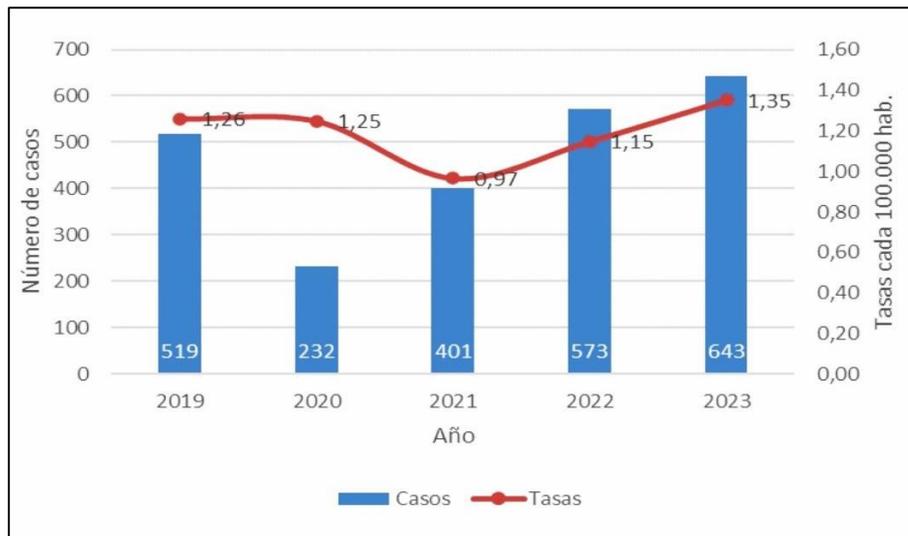
Fuente: [Motivar](#)

Hidatidosis en Argentina

En Argentina, la equinococosis quística/hidatidosis (EQ) es producida por el complejo *Echinococcus granulosus sensu lato* (s.l.) formado por: *E. granulosus sensu stricto* (s.s.) (genotipo G1-G3), *E. equinus* (G4), *E. ortleppi* (G5) y *E. canadensis* (G6/G7, G8 y G10). *E. granulosus sensu stricto* G1 es el más prevalente en hospederos intermediarios (ovinos, porcinos, bovinos, caprinos), hospederos definitivos y las personas, seguido por el genotipo *E. canadensis* G6.

Entre los años 2019 y 2023, se registraron 3.792 casos de EQ, de los cuales el 62,45% (n=2.368) fueron confirmados. Durante el periodo analizado, se observó una disminución de casos en el año 2020 (pandemia de COVID-19) en comparación con el año 2019. Sin embargo, desde el año 2021 la tendencia fue ascendente, alcanzando un total de **643 casos confirmados en el año 2023** alcanzando la tasa de incidencia más alta del periodo analizado.

Número de casos notificados de EQ y tasas de incidencia cada 100.000 habitantes según año. Argentina. Periodo 2019- 2023 (n=2.368)



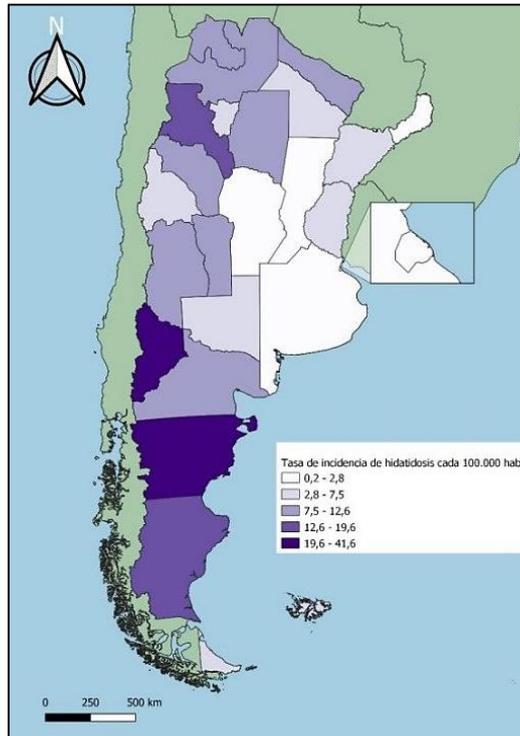
Elaboración Dirección de epidemiología a partir de datos del SNVS 2.0

La detección de casos en niños y adolescentes es un indicador de transmisión reciente o activa a humanos en un área determinada. En el grupo etario de **menores de 15 años**, se detectó un total de 217 casos en el periodo analizado, con la tasa de incidencia más alta registrada en el año 2022 (0,62 casos cada 100.000 habitantes). Las provincias que presentaron mayores tasas son las de la Región Sur, particularmente Neuquén y Chubut, con tasas cercanas a 20 casos cada 100.000 habitantes. Por su parte, La Pampa, San Juan, Misiones y Santa Fe no registran casos en ese grupo de edad en el periodo analizado.

En cuanto a la **distribución geográfica**, se registraron casos confirmados en todas las jurisdicciones. Buenos Aires fue la provincia con el mayor número de casos reportados (n=368). Las regiones Centro y Sur registraron el mayor número de casos detectados en todos los años del período.

Las regiones Sur, NOA y Cuyo son las regiones con mayores tasas de incidencia de casos cada 100.000 habitantes, por encima de la tasa de incidencia total del país. En cuanto al análisis por jurisdicción, en el quinquenio se observaron los valores más altos en las provincias de Chubut (41,6 casos/100.000 hab.), Neuquén (36,7 casos/100.000 hab.) y Catamarca (19,57 casos/100.000 hab.), y las tasas más bajas en las provincias de Misiones, Santa Fe, Buenos Aires y Córdoba.

Tasa de incidencia quinquenal de EQ en humanos, por jurisdicción. Argentina. Periodo 2019- 2023 (n= 2.368)



Elaboración Dirección de epidemiología a partir de datos del SNVS 2.0

Entre los 2.368 casos confirmados en el periodo, se registró el fallecimiento de 8 personas, resultando una **tasa de letalidad menor al 1%**.

Respecto de los **tratamientos realizados**, en 43% de los casos confirmados no se consignó información al respecto. Entre los casos que sí registran esta información, 53% fueron tratados con albendazol de 400 mg, de los cuales sólo 13,7% indicó la realización del tratamiento completo.

La **vigilancia epidemiológica en el ganado** permite cuantificar la carga parasitaria en el hospedador intermediario, lo cual sirve para estimar la dinámica de transmisión en un área geográfica determinada. Asimismo, de estimarse la prevalencia en animales jóvenes, como corderos, puede determinarse el nivel de transmisión actual. El método tradicionalmente utilizado para el diagnóstico en el ganado es la determinación post-mortem de la presencia de quistes hidatídicos en establecimientos faenadores. La distribución regional de estos hallazgos en relación a EQ está relacionada con la producción ganadera de nuestro país, en donde en las provincias del Sur, la mayor producción es la ovina y en la región del Centro es la producción bovina. Además, en el período bajo estudio, se han reportado hallazgos compatibles con EQ en otros animales de producción como caprinos, porcinos y camélidos.

Fuente: [BEN 694. SE 9/24](#)

Mpox

El brote de Mpox que comenzó en 2022 registró 95.000 casos en 117 países y territorios, 111 de los cuales no habían registrado anteriormente la enfermedad. El 80% de los casos de este brote producido por el virus de Mpox (MPXV) Clado IIb fue registrado en 10 países (EE.UU., Brasil, España, Francia, Colombia, México, UK, Alemania, Perú y China, y el 96% de los casos con datos disponibles de sexo masculino, con la mediana de edad de 34 años.

En los últimos meses, 18 países registraron un aumento de casos y Camboya reportó su primer infección.

En Argentina, durante 2023 se confirmaron 124 casos y no se notificaron casos fallecidos.

El primer caso de Mpox en humanos se detectó en 1970 en la República Democrática del Congo y, desde entonces, el país ha registrado casos periódicamente. En 2023 hubo un aumento significativo de los casos y muertes por Mpox y una diseminación geográfica más amplia, habiendo alcanzado 23 de las 26 provincias del país con un total de 18.922 casos y 1.007 muertes, siendo 3.941 los casos ocurridos durante 2024, con 271 muertes. Históricamente, el país solo registró MPXV Clado I, sin casos identificados de MPXV Clado IIb -dominante en el brote a nivel mundial- y más virulento que este último, con una tasa de letalidad de hasta el 10%. Los niños son el grupo más afectado con dos tercios de los casos registrados y el 88% de las muertes. La alta incidencia en infantes está ligada principalmente a la transmisión no sexual entre personas y zoonosis por derrame de pequeños animales.

Fuente: [CDC](#) - [WHO](#) - [BEN 685](#) - [ECDC](#) - [ABC 13](#) - [CIDRAP](#)